

بررسی وجود میان کنش آلفا ۱- آنتی تریپسین و لیپوپروتئین های با دانسیته

کم در سرم انسان «چشم اندازی به ارتباط بیماری های کبد و قلب»

عباس صاحبقدم لطفی^{۱*}، فریا فرجی^۲، عبدالامیر علامه^۲، افشین محسنی فر^۳، حمیدرضا رشیدی نژاد^۴، مهدی محمودی^۶

دریافت: ۱۳۸۳/۳/۳، بازنگری: ۱۳۸۳/۹/۲۰، پذیرش: ۱۳۸۳/۹/۲۸

خلاصه

سابقه و هدف: آلفا ۱- آنتی تریپسین (AAT) یکی از آنتی سرین پروتئازهای مهم پلاسماست. apoB100 هم آپوپروتئین موجود در لیپوپروتئین با دانسیته کم (LDL-C) می باشد، که به عنوان یک واسطه در اتصال و برداشت LDL-C توسط بافت ها اهمیت دارد، بخشی از AAT و apoB100 می تواند در سرم به هم متصل شده و سپس در برداشت LDL-C توسط بافت ها مؤثر باشد. هدف این پژوهش میزان بر هم کنش این دو پروتئین در سرم بیماران قلبی و مبتلایان به نقص AAT بود؛ که می تواند چشم اندازی به درک صحیح تر ارتباط بیماری های قلب و کبد باشد.

مواد و روش ها: برای بررسی میان کنش AAT و LDL-C و تشکیل کمپلکس، ۲۱ نمونه سرم انسانی تهیه و همه نمونه ها بروش الکتروفورز کانونی و با استفاده از سرم های استاندارد AAT تعیین فنوتیپ شدند. سپس در این نمونه ها میزان LDL-C و سایر چربی ها به روش آنزیماتیکی و فعالیت AAT سرم به روش اسپکتروفتومتری با استفاده از آنزیم تریپسین و سوبسترای بنزوییل آرژینین پارانیترو آنیلید (BAPNA) اندازه گیری شد. برای تأیید وجود کمپلکس AAT-LDL در نمونه های سرم با میزان LDL-C های مختلف و فعالیت های متفاوت AAT از روش الیازی ساندویچی با به کارگیری آنتی بادی های ضد apoB و AAT استفاده شد.

یافته ها: تشکیل کمپلکس AAT-LDL در نمونه های سرم با فنوتیپ طبیعی و غیرطبیعی AAT با مقادیر مختلف تأیید گردید میانگین میزان جذب کمپلکس در کل نمونه ها ۶۵٪ بود. این امر حاکی از آن است که حداقل بخشی از AAT و LDL توانسته اند با غلظت قابل قبولی با هم میانکنش داشته باشند نتیجه گیری: با توجه به این که با روش فوق شواهدی دال بر وجود کمپلکس و به عبارتی کنش بین LDL-C و AAT بدست آمد، با مطالعات بیشتر می توان پیش بینی کرد که AAT می تواند با LDL-C به عنوان عامل خطر بیماری های قلبی به نوعی مرتبط باشد.

واژه های کلیدی: کمپلکس AAT-LDL، نقص AAT، بیماری های قلبی، AAT، LDL-C، آلفا-۱- آنتی تریپسین، لیپوپروتئین با دانسیته کم

*۱- دانشیار گروه بیوشیمی بالینی دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس (نویسنده مسئول)

تلفن: ۰۲۱-۸۰۱۱۰۰۱، فاکس: ۰۲۱-۸۰۰۶۵۴۴، پست الکترونیکی: Lotfi_ab@modares.ac.ir

۲- کارشناس ارشد گروه بیوشیمی بالینی دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس

۳- استاد گروه بیوشیمی بالینی دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس

۴- دانشجوی دکتری گروه بیوشیمی بالینی دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس

۵- استادیار گروه قلب و عروق، دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی رفسنجان

۶- دانشیار بیوشیمی بالینی، گروه بیوشیمی بیوفیزیک، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی رفسنجان

مقدمه

آلفا ۱- آنتی‌تریپسین از مهم‌ترین آنتی‌سیرین پروتئازهای سرم است و به طور عمده در کبد ساخته می‌شود.

این پروتئین مهار کننده اصلی الاستاز نوتروفیلی است و در حفاظت بافت ریوی در برابر تخریب الاستازی دارای نقش حیاتی می‌باشد. نقص مادرزادی این پروتئین با خطر بالای ابتلا به آمفیژم ریوی، بروز بیماری‌های مزمن کبدی، آرتروزها، وسکولیت‌ها، عفونت‌های جلدی و گلودولونفریت در ارتباط است [۷،۲۰]. این پروتئین، در میان مهار کننده‌های الاستازی متعدد؛ مؤثرترین مهار کننده می‌باشد [۶] هم‌چنین ۹۰٪ توانایی سرم در مهار تریپسین مربوط به این پروتئین می‌باشد [۳۰].

آل‌های آلفا ۱- آنتی‌تریپسین به طور قراردادی در ۴ طبقه قرار می‌گیرند: ۱- آل‌های طبیعی [۲۴] ۲- آل‌های ناقص که شایع‌ترین آن‌ها S و Z هستند. [۸،۱۶،۲۴] ۳- آل‌های نول [۱۷،۱۸،۲۵،۲۶] ۴- آل‌های غیرعامل^۱ که پروتئین در مقادیر طبیعی ساخته می‌شود، اما عملکرد آن دچار اختلال است [۱۲،۱۵،۲۴،۲۷].

لیپوپروتئین یا دانسیته کم^۲ (LDL-c) یکی از لیپوپروتئین‌های پلاسماست که تنها جزء پروتئینی آن یک مولکول بزرگ، apoB100 می‌باشد [۲۸]. apoB100 با وزن مولکولی ۵۱۰ کیلو دالتون یکی از بزرگترین منومرهای پروتئینی شناخته شده می‌باشد که در کبد ساخته می‌شود [۹،۲۸]. شواهدی وجود دارد که LDL-C که شاخص خطر بیماری‌های قلبی است از طریق apoB خود با AAT سرمی میان‌کنش دارد [۱۱،۱۹،۲۱].

وجود کمپلکس LDL-AAT اولین بار در سال ۱۹۹۹ در کنگره هیپاتولوژی آمریکا مطرح شد که بر اساس آن گزارش سنجش‌های ژنتیک آزمایشگاهی در مخمر نشان داد که AAT به عنوان یک پروتئین متصل شونده با apoB100، میان‌کنش می‌دهد. سنجش‌های ایمونولوژی رسوبی^۳ هم نشان داد که آلفا ۱- آنتی‌تریپسین و apoB می‌توانند به صورت متصل به هم از سرم رسوب داده شوند [۲۲]. در بررسی دیگری که در سال ۱۹۹۹ که بر روی بیماران مبتلا به تصلب شرایین صورت گرفت،

مشاهده شد که افراد دارای آل‌های غیرطبیعی آلفا ۱- آنتی‌تریپسین؛ پیشرفت خیلی بیشتری در تصلب شرایین نسبت به سایرین داشتند و چنین پیشنهاد شده که مکانیسم این اثر از طریق آلفا ۱- آنتی‌تریپسین محافظت کننده می‌باشد که می‌تواند به LDL-C (apoB) متصل شده و در ساختمان پلاک‌های تصلب شرایین شرکت کرده و اثرات الاستاز و سایر پروتئازها را مهار کند [۲۹].

در جدیدترین پژوهش انجام شده روی کمپلکس AAT-LDL در اواخر سال ۲۰۰۱، به کمک آنتی‌بادی ضد AAT اکسیده وجود کمپلکس LDL-oxAAT در سرم نشان داده شده است. هم‌چنین به وسیله بررسی‌های هیستولوژی، کمپلکس LDL-AAT در ضایعات آترواسکلروتیک مشاهده شده است که این مسئله می‌تواند به نقش آن در تصلب شرایین اشاره داشته باشد [۲۳].

در مطالعه حاضر سعی بر این بوده که اولاً: میان‌کنش بین AAT و LDL-c و تشکیل کمپلکس در سرم انسانی اثبات گردد، ثانیاً: به صورت مقدماتی میزان تشکیل آن در فنوتیپ‌های غیرطبیعی AAT (SZ, MS, MZ) و فنوتیپ‌های طبیعی (MM) مشخص شود. چشم‌انداز مهم‌تر این مطالعه وجود ارتباط بین بیماری‌های کبدی مرتبط با AAT و بیماری‌های قلبی (از طریق LDL-c) می‌باشد که افق‌های جدیدی را برای پژوهشگران در تشخیص و درمان خواهد گشود.

مواد و روش‌ها

در این مطالعه، از هیجده نمونه سرمی افراد مختلف افراد طبیعی و افراد با میزان افزایش یافته LDL-C سرم (کمتر از ۱۵۰ میلی‌گرم در صد و بیشتر از آن) با فنوتیپ طبیعی AAT و سه نمونه سرم دارای فنوتیپ‌های غیرطبیعی AAT مورد آزمایش قرار گرفت. در این نمونه‌ها ابتدا میزان تری‌گلیسیرید، کلسترول و HDL-C سرم به روش آنزیماتیک اندازه‌گیری و میزان LDL-C نمونه‌های سرم بعد از تعیین مقصداری TG و کلسترول با استفاده از رابطه [LDL-C=totalChol-(HDL-C+TG/5)] محاسبه شد. سپس میزان فعالیت مهارتی AAT در نمونه‌های سرم با

1- Dysfunctional
2- Low Density Lipoprotein
3- Immunoprecipitation

جدول ۱: نتایج حاصل از آزمایش‌های لیپید پروفایل روی نمونه‌های سرم (میلی‌گرم در دسی لیتر)

| LDL>۱۵۰ | LDL<۱۵۰ | |
|--------------|-------------|--------------------------------------|
| ۱۷۵/۵±۲۴/۲۱ | ۱۳۰/۴±۴/۷ | لیپو پروتئین با دانسیته کم (LDL-c) |
| ۴۷/۴۶±۷/۱۹ | ۵۰/۶±۱۳/۵۲ | لیپو پروتئین با دانسیته زیاد (HDL-c) |
| ۲۵۵/۱۲±۲۵/۸۲ | ۲۱۰/۲±۱۴/۲ | کلسترول |
| ۱۶۰/۵±۳۸/۶۶ | ۱۵۰/۸±۴۶/۲۰ | تری گلیسیرید |

میانگین LDL-c گروه اول ۱۳۰/۴mg/dl و میانگین گروه دوم ۱۷۵/۵mg/dl محاسبه شده است. نتایج آزمایش میزان فعالیت مهار آت (TIC) روی نمونه‌های سرمی و همچنین فنوتیپ آت که توسط تکنیک الکتروفورز کانونی (IEF) و در مقایسه با سرم‌های استاندارد آت تعیین شده در جدول ۲ بیان شده است. میانگین TIC کل نمونه‌ها $2/4 \pm 1$ (mol/min/ml μ) محاسبه شد.

جدول ۲- نتایج Mean \pm SEM آزمایشات ELISA، IEF و TIC روی نمونه‌های سرم

| تعداد | میانگین جذب کمپلکس AAT-LDL | میانگین فعالیت مهار آت (mmol/min/ml) | فنوتیپ |
|-------|----------------------------|--------------------------------------|----------|
| n=۱۸ | ۰/۶۵ | ۲/۴±۱ | MM |
| n=۳ | ۰/۴۷ | <۱/۵ | MS/MZ/SZ |

همچنین در بررسی فنوتیپ‌های آت، ۱۸ نمونه سرمی دارای فنوتیپ طبیعی (MM) و سه نمونه دارای فنوتیپ‌های غیرطبیعی (SZ, MZ, MS) بودند. الگوی ژل الکتروفورز کانونی نمونه‌های سرم طبیعی و استاندارد، به ترتیب در شکل ۱ و ۲ نشان داده شده است. همچنین نتایج کمی آزمون الایزا جهت شناسایی کمپلکس AAT-LDL در ۲۱ نمونه سرمی در جدول ۲ نشان داده شده است. لازم به ذکر است جذب نوری ذکر شده در آزمون الایزا، میانگین سه بار آزمایش در روزهای متعدد و دو آزمایش در فاصله زمانی چند ساعت در یک روز می‌باشد علاوه بر این میانگین جذب نوری برای NSB برابر ۰/۶ محاسبه گردید.

استفاده از آنزیم تریپسین و سوپسترای BAPNA^۱ به روش اسپکتروفوتومتری مورد بررسی قرار گرفت [۲، ۱۴] به نتیجه این آزمایش، ظرفیت مهار تریپسین^۲ (TIC) اطلاق می‌شود.

در مرحله بعد فنوتیپ AAT در نمونه‌های سرمی به روش الکتروفورز کانونی^۳ (IEF) تعیین شد [۱، ۳، ۴، ۱۰، ۱۳].

در این روش از آمفولیت با pH بین ۴/۲ تا ۴/۹ استفاده گردید و سپس الگوهای الکتروفورزی بدست آمده با الگوی الکتروفورزی سرم‌های استاندارد با فنوتیپ مشخص، مقایسه و فنوتیپ نمونه‌ها تعیین شد لازم به توضیح است سرم‌های استاندارد از آزمایشگاه رفرانس AAT نروژ تهیه گردید.

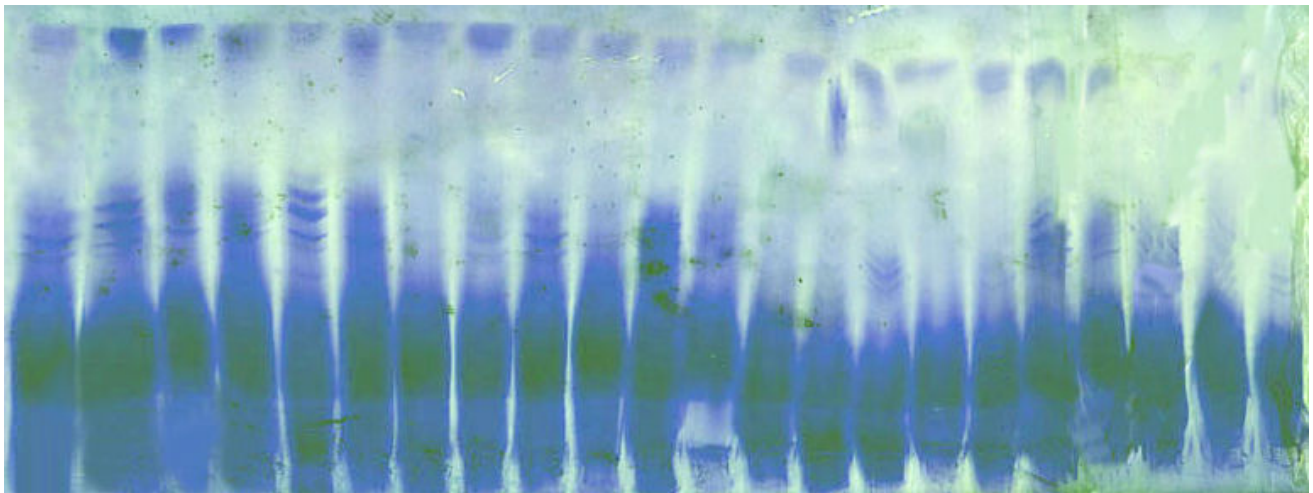
برای اثبات میان‌کنش بین AAT و LDL-C و تشکیل کمپلکس LDL-AAT در نمونه‌های سرم از روش الایزای ساندویچی استفاده شد [۵، ۲۳] بدین منظور با بهره‌گیری از آنتی‌بادی منوکلونال ضد AAT (با غلظت ۱ μ g/ml) و آنتی‌بادی پلی‌کلونال بر ضد apoB100 خرگوشی (با رقت ۴۰۰۰:۱) استفاده نمودیم. این رقت‌ها با استفاده از منحنی‌های خاص (Checker Board) بدست آمد. نهایتاً برای تشخیص نهایی آنتی‌بادی ضد IgG خرگوشی کونژوگه با HRP (با رقت ۱:۱۰۰۰۰) و سوپسترای اورتو فنیلین دی‌آمین (OPD) بکار رفت. در این آزمون بهترین رقت برای سرم (۱:۵۰) بود.

لازم به ذکر است قبل از انجام تست الایزا، یک اتصال غیر اختصاصی^۴ (NSB) بروش ایمنواستریپینگ از نمونه سرم انسانی تهیه گردید تا از وجود اتصالات غیر ویژه در تست الایزا اطلاع حاصل شود. بدین منظور تمام AAT‌ها و کمپلکس‌های در ارتباط با کمک آنتی‌بادی ضد AAT از سرم حذف شده است. نهایتاً جذب نوری^۵ (OD) چاهک حاوی NSB از جذب نوری مربوطه به نمونه‌های سرمی کسر گردید تا جذب واقعی مربوط به تشکیل کمپلکس بدست آید.

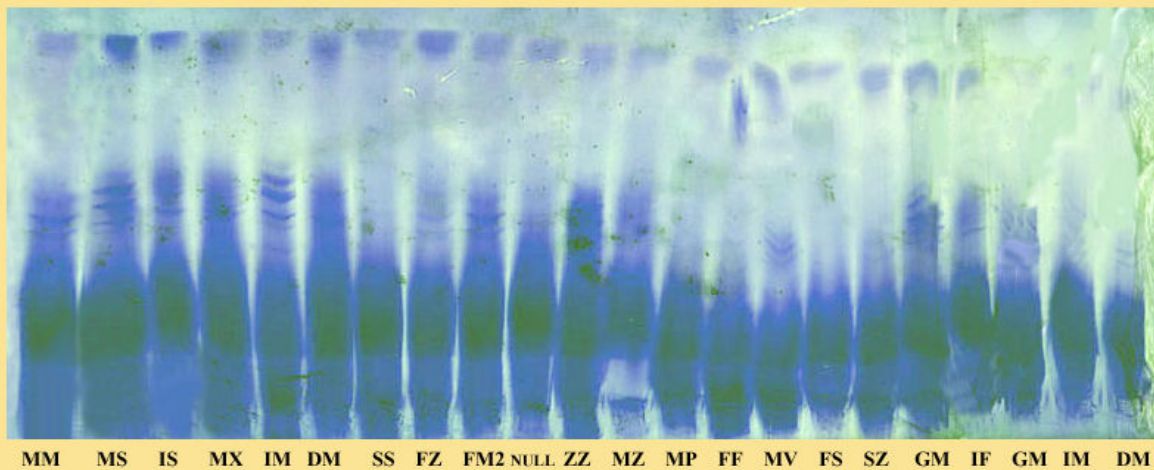
نتایج

نتایج این آزمایشات در جدول ۱ بیان شده است.

- 1- Benzoyl Arginine Paranitro Anilid
- 2- Trypsin Inhibitory Capacity
- 3- Iso Electric Focusing
- 4- Non Specific Binding
- 5- Optical Density



شکل ۱: ژل الکتروفورز کانونی نمونه های سرم



شکل ۲: ژل الکتروفورز کانونی سرم های استاندارد

بحث

همان گونه که در جدول نتایج (جدول ۱ و ۲) مشاهده می شود در تمامی نمونه ها با LDL-C های متفاوت و TIC های مختلف، کمپلکس AAT-LDL در مقادیر تقریباً مشابه وجود دارد. بررسی و مطالعه تشکیل این کمپلکس سرمی بسیار جدید می باشد زیرا اولین بار در سال ۱۹۹۹ در کنگره هیپاتولوژی آمریکا وجود کمپلکسی متشکل از آلفا ۱- آنتی تریپسین و

جهت بررسی ارتباط بین سطح فعالیت های AAT یعنی (TIC) و LDL-C با کمپلکس AAT-LDL در سرم افراد از آزمون ضریب همبستگی استفاده شد. این آزمون ارتباط معنی داری بین این عوامل نشان می دهد ($p \leq 0/50$)، که این امر بیانگر آنست که در تشکیل این کمپلکس عواملی به جز غلظت اجزای تشکیل دهنده اهمیت دارند.

شود و به تبع آن کمپلکس آن با LDL-C نیز می‌تواند چنین تأثیری داشته باشد [۲۹،۳۰].

و بالاخره این که اتصال AAT به LDL-C و تشکیل کمپلکس AAT-LDL می‌تواند سبب برداشت بیشتر LDL-C توسط بافت‌های خاص شود [۲۲]. بدین ترتیب که با اتصال AAT به LDL-C، این لیپوپروتئین همانند LDL-C‌های تغییر یافته احتمالاً می‌تواند توسط گیرنده‌های ماکروفاژهای دیواره سرخرگی برداشت شده و بنابراین زمینه تصلب شرایین را فراهم نماید [۲۳].

نمونه‌های مورد مطالعه ما علاوه بر فنوتیپ طبیعی واجد فنوتیپ غیرطبیعی AAT هم بودند. در همه این نمونه‌ها وجود کمپلکس مشاهده گردید، بنابراین این کمپلکس می‌تواند هم با AAT‌های طبیعی و هم غیرطبیعی تشکیل شود و نتایج ما اختلاف فاحشی بین دو گروه نداشت؛ اما قدر مسلم اینست که فنوتیپ‌های طبیعی و غیرطبیعی به دلیل اختلاف فاحش ساختاری میان کنش‌های متفاوتی با LDL-C دارند. اگر نتایج تحقیقات و مطالعات با تعداد نمونه‌های بیشتر این مطلب را تایید کند و به ویژه تشکیل کمپلکس در افراد با فنوتیپ‌های غیرطبیعی بیشتر باشد به نظر می‌رسد بین نقص AAT که یک بیماری کبدی است با بیماری‌های قلبی می‌تواند ارتباط وجود داشته باشد و بنابراین در این گونه موارد پیشنهاد می‌شود که مبتلایان به نقص AAT برای بیماری‌های قلبی نیز مورد معاینه قرار گیرند.

LDL-C در سرم انسانی مطرح شد و سنجش‌های ژنتیکی آزمایشگاهی در مخمر نشان داد که آلفا ۱- آنتی‌تریپسین با اسیدهای آمینه ۴۳۰ تا ۶۹۰ از apoB میان‌کنش می‌دهد [۲۲]. در بررسی دیگری که توسط تالمود^۱ در اواخر سال ۱۹۹۹ انجام شد نیز به وجود کمپلکس AAT-LDL اشاره شده است [۲۹] در اواخر سال ۲۰۰۱، ماشیبا^۲ و همکاران در ژاپن وجود کمپلکس AAT-LDL را در سرم انسانی با روش الیزا روی قسمت‌های مختلف سرمی حاصل از کروماتوگرافی ژل فیلتراسیون نشان دادند. این گروه هم‌چنین با تولید آنتی‌بادی علیه AAT اکسیده و با بهره‌گیری از روش‌های الیزا و بلاتینک، وجود کمپلکس خط oxAAT-LDL را در سرم انسان نشان داده و به اهمیت اکسیداسیون AAT در تشکیل آن اشاره کردند؛ آن‌ها هم‌چنین با بررسی‌های هیستولوژی، کمپلکس AAT-LDL را در ضایعات تصلب شرایین مشاهده کردند که این مسئله درگیری آن را در پلاک‌زایی پیشنهاد می‌کند [۲۳]. به طور کلی در تحقیقات و بررسی‌ها روی AAT و هم‌چنین کمپلکس AAT-LDL در تصلب شرایین و سکتة قلبی نقش‌های مختلف و بعضاً متفاوتی پیشنهاد شده است. از جمله اینکه؛ AAT به دلیل اثر مهاری شناخته شده‌اش روی کلاژناز و الاستاز می‌تواند فیبروز ضایعات تصلب شرایین را افزایش داده و به پیشرفت آن کمک نماید بر این اساس تشکیل کمپلکس AAT-LDL و حضور آن در پلاک‌های اترواسکلروز می‌تواند منجر به پیشرفت بیماری شود [۲۲،۲۳،۳۰].

AAT به دلیل داشتن اثر ضد التهابی، نقش محافظتی و ترمیم بافتی می‌تواند باعث مهار تصلب شرایین و سکتة قلبی

منابع

- [۱] اخوان ر: بررسی فنوتیپ‌های در بیماران ANCA مثبت به روش IEF. پایان‌نامه دکتری حرفه‌ای، دانشگاه تربیت مدرس، ۱۳۷۸
- [۲] صاحب‌قدم لطفی ع، صابر س، علمداری د: بررسی فنوتیپ‌ها و فعالیت آلفا یک آنتی‌تریپسین در بیماران آمفیزم. مجله دانشکده علوم پزشکی گیلان ۱۳۷۷، سال هفتم، شماره ۲۵ و ۲۶، صفحات: ۶۷-۶۲.
- [۳] صاحب‌قدم لطفی ع، ملک‌زاده ر، میلانی ب: مقایسه فنوتیپ‌های آلفا یک آنتی‌تریپسین در بیماران Hbs Ag مثبت مبتلا و غیر مبتلا به سیروز کبدی. مجله دانشگاه علوم پزشکی کرمان، ۱۳۷۷، دوره ششم، شماره ۱.
- [۴] صاحب‌قدم لطفی ع، قوامی س، ملک‌زاده ر، خداداد احمد: بررسی ایزوفرم‌های آلفا یک آنتی‌تریپسین در بیماران مبتلا به بیماری‌های کبدی یا علت ناشناخته مراجعه کننده به مرکز طبی کودکان. مجله پزشکی کوثر، ۱۳۸۱.

- [۵] مطهری م: اندازه گیری سطح سرمی کمپلکس IgA- α 1-Antitrypsin توسط روش الیزا در بیماران مبتلا به آرتریت روماتوئید. پایان نامه کارشناسی ارشد دانشگاه تربیت مدرس، ۱۳۸۰.
- [6] Bieth JG. In vivo investigation of kinetic constants of protein proteinase inhibitors- *Biochem Med.*, 1984; 32(3): 387-9.
- [7] Brantly M, Nukiwa T, Crytal RG: Molecular basis of alpha-1- antitrypsin deficiency. *Am J Med.*, 1988; 84 (supple 6A):13-31.
- [8] Brantly M, Nukiwa, SL, Benavent A, Country M, et al: In vitro demonstration of the molecular basis of the secretary defect associated with expression of the Z alpha-1-antitrypsin gene, *Am Rev Respir Dis.*, 1987; 135: A291
- [9] Boren J, White A, Wellesten M, Scott J, Graham L, et al: The molecular mechanisms for the assembly and secretion of apoB100 Containing lipoproteins. *Prog Lipid Res.*, 1991; 30(213):205-218.
- [10] Broox KP, Immarin RM: Determination of alpha-1- antitrypsin phenotypes and M subtypes by isoelectric focusing in immobilized pH gradients. *Clinical Biochemistry.*, 1985; 18: 280-284.
- [11] Hurt-Camejo EH, Olsson U, Wilklund O, Bondjers G, Camejo G: Cellular consequences of the association of apoB lipoprotein with proteoglycans, *Atherosclerosis Theromb Vasc Biol.*, 1997; 17(6):1011-1017.
- [12] Correl Rw, Jeppsson JO, Laurel B, Brennan SO, Owen MC, et al: Structure and variation of human α -1-antitrypsin. *Hum Genet.*, 1980; 53: 429-33.
- [13] Cox DW, Johnson AM, Fagerhol MK: Report of nomenclature meeting for alpha 1-antitrypsin. *Hum Genet.*, 1980; 53: 429-433.
- [14] Dietz AA, Rubinstein HM, Hodgesl: Measurment of alpha -1- antitrypsin in serum by immunodiffusion and by enzymatic assay. *Clinical Chemistry*, 1974; 20(3):396-399.
- [15] Fagerhol MK, Cox DW: The pi polymorphism-genetic- biochemical and clinical aspects of human α -1- antitrypsin, *Ad Hum Genet.*, 1981; 11(11): 371-2.
- [16] Fagerhol MK, Tenfjord OW: Serum pi type in some European-American- asian and African population. *Acta Pathol Microbiol Scand.*, 1988; 72: 601-8.
- [17] Garver RIjr, Mornex JE, Nukiwa T, et al: Alpha antitrypsin deficiency and emphysema caused by homozygous inheritance of non expressing alpha-1- antitrypsin genes. *N Engl J Med*, 1986; 314(12): 762-6.
- [18] Hardick C, Stifers R, Carlson J, Kidd V, Woo SLC: A null allele of the human alpha1-antitrypsin. *Genet*, 1986; 39: A202.
- [19] Herttuala SY, Palinski W, Rosenfeld ME, Steinberg D, Witztum JL: Lipoproteins in normal and atherosclerotic aorta *European Heart J*, 1990; 11: 88-99.
- [20] Hutchison DC: Natural history of alpha -1- protease inhibitor deficiency. *Am J Med.*, 1988; 84(6A): 3-12.
- [21] Itab h, Suzuki K, Tsukamoto Y, Komatsu R, Ueda M, et al: Lysosomal accumulation of oxidized phosphatidyl choline-apoliporotein B complex in macrophages BBA., 200- 1487:233-45.
- [22] Lewin B, Behari A, Deckelbaum RJ, Sturley S: Interactions of alpha -1- antitrypsin ith low density lipoproteins: A role of the liver in heart disease hepatothology Congress. 1999.
- [23] Mashiba S, Wada Y, Takeya M, Sugiyama A, Hamakubo T, et al: In vivo complex formation of oxidized alpha-1-antitrypsin and LDL *Arteroscler Thromb Vasc Biol.*, 2001; 21(11): 1801-1808.
- [24] Massi G, Chiarelli C: Alpha 1- antitrypsin: molecular structure and the Pi system. *Acta Paediatr.*, 1994; 1-4.
- [25] Muensch H, Gaidudis L, Kueppers F, et al: Complete absence of serum alpha-1- antitrypsin

- in conjunction with an apparently normal gene structure. *Am J Hum Genet.*, 1986; 38(6): 898-907.
- [26] Nukiwa T, Takahashi H, Brantly M, Crystal RG: Alpha-1-Antitrypsin null Granite Falls nonexpressing alpha1- antitrypsin gene associated with a frame shift to stop mutation in a coding exon, *J Biol chem*, 1987; 262(25): 11999-12004.
- [27] Scott CF, Carrell RW, Glaster CB, Kuepper F, Lewis JH, Colman RW: Alpha-1- antitrypsin Pittsburg: A potent inhibitor of human plasma factor Xla- Kallikerin and factor XIIF. *J Clin Invest.*, 1986; 77(2): 631-4.
- [28] Segrest JP, Jones MK, De Loof HD, Dashti N: Structure of apolipoprotein B-100 in low density lipoproteins. *J Lipid Res.*, 2001; 42(9):1346-67.
- [29] Talmud PJ, Martin SG, Sturley SL, Humphries SE, Taskinen R, et al: Genetic variation in the 3' flanking sequence of alpha -1-antitrypsin gene is associated with increased progression in the loped coronary angiographies trial, Abstract of 1999 Serpin meeting.
- [30] Vasantha VC, Somayajulu GL, Pai HS: Serum alpha 1-antitrypsin activity in ischaemic heart disease, *J Indian Med Ass.*, 1985; 83(6): 297-99.

Interaction of Human Serum alpha-1-Antitrypsin and Low Density Lipoprotein "a Perspective to the Relation of Liver and Heart diseases"

A.S. Lotfi PhD^{1*}, F. Faraji MSc², A. Allameh PhD³, A. MohsenifarMSc⁴, HR. Rashdi Nejad MD⁵, M. Mahmoodi PhD⁶

- 1- Associate Professor in Clinical Biochemistry, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modarres University, Tehran, Iran
- 2- MSc. in Clinical Biochemistry, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modarres University, Tehran, Iran
- 3- Professor of Clinical Biochemistry, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modarres University, Tehran, Iran
- 4- Ph.D Student of Clinical Biochemistry, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modarres University, Tehran, Iran
- 5- Assistant Professor of Cardiology, Faculty of Medicine, Rafsanjan University of Medical Sciences, Rafsanjan, Iran
- 6- Associated Professor of clinical Biochemistry, Faculty of Medicine, Rafsanjan University of Medical Sciences, Rafsanjan, Iran

Background: Alpha-1-antitrypsin (AAT) is one of the important plasma antiserins proteases. This protein is the major inhibitor of leucocytes elastases and plays a crucial role in protecting the pulmonary tissue from elastolytic destruction. ApoB100, is an apoprotein that exist in the low density lipoprotein, and provides structural integrity and functions as a ligand mediating the cellular association and uptake of LDL-C by tissues. Alpha 1-antitrypsin and apoB100, are two proteins that are produced in the liver, can be bound to each other in serum, and affect LDL-C uptake by tissues.

Materials and Methods: In the present study, 21 serum for the formation of AAT-LDL complex were investigated initially. All samples were phenotyped by use of isoelectrofocusing using standard serua. We also determined LDL-C level and lipid profile by enzymatic method. Sera AAT activities (TIC) were measured by spectrophotometric method by the use of trypsin enzyme and BAPNA as substrate. The AAT-LDL complex in samples with different LDL-C and AAT activities, was investigated by sandwich ELISA method using anti-apoB antibody and anti AAT monoclonal antibody.

Results: The results of this study showed that the AAT-LDL complex is formed in serum with normal and abnormal AAT phenotypes and these preliminary data indicated the different level of complex in different samples. The average of the complex absorbance was 65% in all samples. This showed that at least a part of AAT and LDL interacted with an acceptable concentration.

Conclusion: It has been concluded that AAT-LDL complex level in sera of patients with liver disease due to AAT deficiency may correlate with the atherosclerosis. Further studies are needed to show the association of AAT and LDL-C and AAT-LDL complex formation, in various diseases specially heart and liver diseases.

Key words: Alpha 1-antitrypsin, AAT deficiency, Low density Lipoprotein, AAT-LDL complex , Heart diseases

*Corresponding author Tel: (021) 8011001, Fax: (021)8006544, E-mail: lotfi_ab@modares.ac.ir

Journal of Rafsanjan University of Medical Sciences and Health Services, 2004, 3(4): 250-257